

事後評価対象課題一覧

評価課題名	研究開発 代表者名	所属機関	役職	開始 年度	終了 年度
蚊媒介性感染症国内流行阻止のためのベクター昆虫のバイオイン フォマティクス解析	葛西 真治	国立感染症研究所	部長	2020	2022
回帰熱を主とした節足動物媒介性感染症に関する総合的対策の ための研究	川端 寛樹	国立感染症研究所	室長	2020	2022
結核コホート研究より得られた結核菌ゲノム構造変異、可動遺伝 因子とリピート配列の役割と病原性	慶長 直人	公益財団法人結核 予防会結核研究所	副所長	2020	2022
グローバルに拡散するカルバペナム耐性菌の分布と伝播様式解析 および耐性菌ゲノムデータベース拡充	明田 幸宏	大阪大学	講師	2020	2022
治療・予防を目指したHIV-1サブタイプA/E感染症の研究開発	滝口 雅文	熊本大学	シニア 教授	2020	2022
フラビウイルス感染症における抗原特異的免疫応答の網羅的評価 法の開発および重症化リスク選定とワクチン開発に向けた応用に関 する研究	大場 靖子	北海道大学	准教授	2020	2022
タイ王国における下痢症ウイルスに関する研究	小林 剛	大阪大学	准教授	2020	2022
東京大学中国拠点を活用したフラビウイルス感染症制御のための 基礎研究	岡本 徹	大阪大学	教授	2020	2022
動物・食品・環境・節足動物媒介ウイルス感染症の越境感染に関 する研究	前田 健	国立感染症研究所	部長	2020	2022
下痢症原因細菌の完全ゲノム配列を用いた可動性遺伝因子との 関連解析 ～ヒト腸内における薬剤耐性伝播ポテンシャル～	黒田 照夫	広島大学	教授	2020	2022
自然環境中における細菌-プラスミド相互作用の網羅的解析	鈴木 仁人	国立感染症研究所	主任 研究官	2020	2022
重症マラリア対策開発に向けた流行地患者由来サンプルを活用し た重症マラリア関連因子の探索	新澤 直明	東京医科歯科大学	助教	2020	2022
蚊媒介性ウイルス感染症のリスク予測系とワクチン開発のための基 礎研究	横山 勝	国立感染症研究所	主任 研究官	2020	2022
シングルセルメタゲノミクスを活用した臨床・環境試料のマイクロバイ オーム解析	星野 仁彦	国立感染症研究所	室長	2020	2022
中部アフリカにおける熱帯熱マラリアのアルテミシニン耐性分子機序 の解明	金子 修	長崎大学	教授	2020	2022