

グローバルなHTLV-1潜伏拡大の制御



【日本側】

・研究開発代表者：
侯野 哲朗
(国立健康危機管理研究機構
国立感染症研究所 所長)



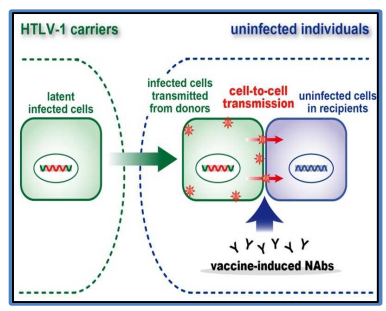
【オーストラリア側】

・相手国研究開発代表者：
Damian Purcell
(Univ Melbourne, Peter Doherty Inst
for Infection & Immunity, Professor)

【目的】

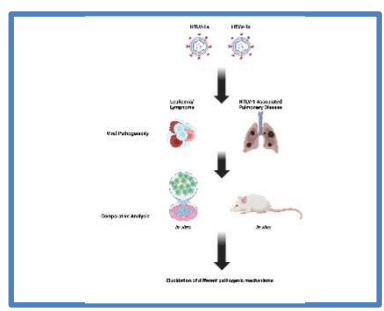
HTLV-1感染症の感染・発症機序解明と予防・治療法の開発

【研究内容1】



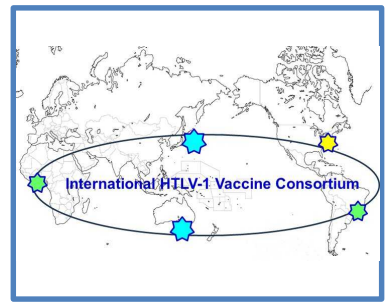
HTLV-1感染伝播機序解明を進め、日豪共同で抗体誘導予防ワクチン開発研究を展開し、動物実験で感染防御効果を検証するとともに、若手研究者人材育成・交流を図る。

【研究内容2】



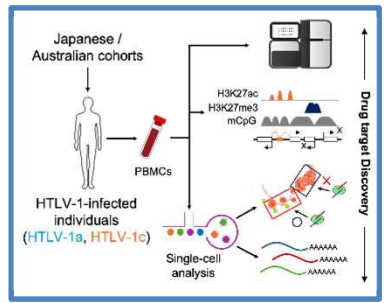
日本で流行するHTLV-1aとオーストラリアで流行するHTLV-1cの感染者検体・情報の交換を進め、病原性の比較およびオミクス解析による疾患発症因子・機序の解明を推進する。

【期待される成果1】



抗体誘導mRNA HTLV-1ワクチンの非臨床POC取得、並びにガーナ・ブラジル研究機関との国際共同臨床試験に向けた日豪のリーダーシップによる国際HTLV-1ワクチンコンソーシアム構築が期待される。

【期待される成果2】



HTLV-1感染症における発症リスク因子同定および発症機序解明が期待され、その成果に基づき、ハイリスクキャリアの診断法開発や、発症阻止に結びつく治療法開発が期待される。

Control of endemic HTLV-1 to prevent silent global spread



【Japan-side】

- Principal Investigator :
Tetsuro Matano
(Director-General, National
Institute of Infectious Diseases)



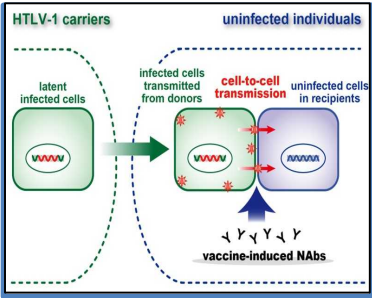
【Australia-side】

- Counterpart Principal investigator :
Damian Purcell
(Professor, Peter Doherty Inst for
Infection & Immunity, Univ Melbourne)

【Objective】

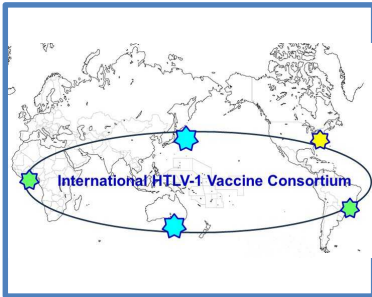
Research for prevention of HTLV-1 transmission and disease progression

【Research Outline 1】



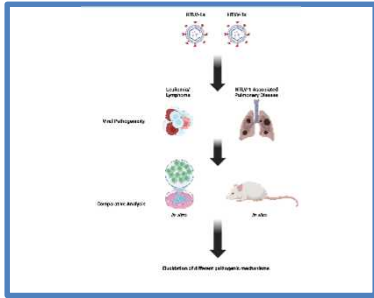
We will examine the HTLV-1 transmission mechanism and work on the development of a prophylactic antibody-inducing vaccine with encouraging the exchange of young researchers between the two countries for human resource development.

【Expected Result 1】



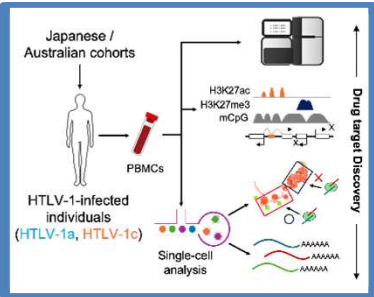
It is expected to obtain the non-clinical POC by demonstrating the protective efficacy of an HTLV-1 mRNA vaccine in an animal model and create a global consortium towards an international HTLV-1 vaccine clinical trial.

【Research Outline 2】



We will examine the difference in pathogenicity of HTLV-1a and HTLV-1c prevailing in Japan and Australia, respectively, and perform next-generation omics analyses to elucidate the mechanism for disease progression in HTLV-1 infection.

【Expected Result 2】



It is expected to identify the biomarker indicating the risk for developing diseases and elucidate the mechanism for disease progression in HTLV-1 infection, leading to the development of therapeutics