



革新的がん医療実用化研究事業 令和8年度公募 公募説明会(web)

令和7年11月

本資料は公募要領からの抜粋で構成されています。
詳細は、公募要領(革新的がん医療実用化研究事業
令和8年度(1次公募))を必ずご確認ください。

https://www.amed.go.jp/koubo/03005/02/B_00001.html

1. 概要説明

事業概要、公募概要、応募に必要な書類・提出方法、
応募書類作成上の注意、主なスケジュール

2. ヒト全ゲノムシーケンス解析のプロトコール情報の提出について

3. 各Fieldの概要

4. 終わりに

公募HP

https://www.amed.go.jp/koubo/03005/02/B_00001.html

1. 事業概要説明

がん研究10か年戦略（第5次）の概要

令和5年12月25日大臣確認（内閣府、文部科学省、厚生労働省、経済産業省）

戦略目標

がん患者を含む全ての国民と協働した研究を総合的かつ計画的に推進することにより、「がん予防」、「がん医療」及び「がんとの共生」の各分野のより一層の充実を実現し、がん対策推進基本計画の全体目標（「誰一人取り残さないがん対策を推進し、全ての国民とがんの克服を目指す」）を達成することを目指す。

今後のあるべき方向性

今後のがん対策の方向性を踏まえ、社会実装を意識したがん研究の取組を進めていく。がん研究全体として、長期的視点を持って研究成果を産み出すために、省庁連携のみならず、産官学が連携し、がん患者を含む全ての国民とともに、基礎研究、臨床研究、政策研究のそれぞれを戦略的かつ一体的に推進していく。

今後推進すべきがん研究・開発（具体的研究事項）

※赤枠内をAMEDで実施

（1）「がんの予防」に関する研究

- （1-1）新たなリスク要因の同定やリスク層別化に基づく1次予防の推進
- （1-2）高リスク層の同定や新たな早期発見手法の活用による2次予防の推進

（2）「がんの診断・治療」に関する研究

- （2-1）個別化医療を更に推進する診断技術の開発
- （2-2）新規薬剤・治療法の開発
- （2-3）多様な患者ニーズに応じた新たな標準治療の確立

（3）「がんとの共生」に資する研究

- （3-1）誰もがアクセス可能な相談支援・情報提供
- （3-2）充実したサバイバーシップの実現

（4）ライフステージやがんの特性に着目した研究

- （4-1）希少がん及び難治性がん
- （4-2）小児がん及びAYA世代のがん
- （4-3）高齢者のがん

（5）がんの予防、がんの診断・治療の開発、がんとの共生を促進するための分野横断的な研究

- （5-1）がんの本態解明
- （5-2）シース探索・育成
- （5-3）バイオバンク・データベースの整備、連携強化及び利活用促進
- （5-4）先端的な科学技術の活用や異分野融合
- （5-5）政策的な課題の把握と解決

研究の効果的な推進のための環境整備

- ✓ **国際連携** 国際共同臨床試験の環境整備、海外データベースとの連携とその活用等
- ✓ **人材育成** 幅広い分野の知識を身に付けたがん研究に関わる人材の育成、若手・女性研究者や博士号取得者の活躍の場の拡大等
- ✓ **患者・市民参画** 他疾患や他領域の視点も広く交えた主体的な参画の推進等

革新的がん医療実用化研究事業（厚生労働省）

PO

赤堀 真 (株) アイクロス

牛島 俊和 星薬科大学 学長

大津 敦

がん研究会 理事・研究本部 本部長
(一社) がん医療創生機構 理事長
国立がん研究センター東病院 名誉院長

佐伯 俊昭

埼玉医科大学国際医療センター 病院長

佐野 武

がん研究会 有明病院 病院長

竹内 雅博

三井不動産 (株) 参事

田中 純子

広島大学 理事・副学長

永田 靖

中国労災病院 部長

中山 啓子

量子科学技術研究開発機構 理事

古瀬 純司

神奈川県立がんセンター 総長

堀部 敬三

名古屋医療センター 上席研究員

光富 徹哉

和泉市立総合医療センター 総長

吉田 輝彦

国立がん研究センター 医員

米田 悦啓

阪大微生物研究会 理事長

Field1 がんの予防に関する研究

Field2 がんの診断・治療技術開発に関する研究

Field3 がんの新規薬剤・治療法の開発に関する研究

Field4 がんの標準治療の確立、
ライフステージに応じたがん治療に関する研究

Field5 がんの克服を目指した分野横断的な研究

サポート機関 (PRIMO)

PS

直江 知樹

名古屋医療
センター
名誉院長

がん・難病全ゲノム解析等実行プログラム（厚生労働省）

PO

米田 悦啓 阪大微生物研究会 理事長

吉田 輝彦 国立がん研究センター

全ゲノム解析等実行計画の推進にかかる
研究（がん領域）

公募概要

公募研究開発課題(Fieldサブ項目)一覧(1/2)



公募要領 2.1～ 他

	サブ項目	公募研究開発課題	公募要領 掲載ページ
Field1 : がんの予防に 関する研究	1-1-1	がん予防の実現に資する基盤的研究と標的妥当性の検証	9
	1-2	後ろ向きコホート研究を中心とした個人の発がんリスクを評価する研究	12
	1-3	先制医療・予防を目指した個人の発がんリスクに応じたリスク低減手法の研究	14
	1-4	がん検診への導入をめざした診断技術の開発に関する研究	16
	1-5-1	がんの予防法や新たな検診手法の実用化をめざした大規模疫学研究等	18
	1-5-2	がんの予防法や新たな検診手法の実用化をめざした大規模疫学研究等（フォローアップフェーズ）	18
Field2 : がんの診断・ 治療技術開発 に関する研究	2-1-1	バイオマーカーを用いたがん診断技術の確立と実用化に関する研究	20
	2-2-1	がんの診断・治療における高度管理医療機器等の開発と実用化を目指した医師主導治験・臨床研究	23
	2-3-1	新たながん診断情報が得られる先進的な医用イメージング技術の確立に関する研究	26
	2-4	がん放射線治療における新規医療技術の開発・応用に関する実用化研究	29
Field3 : がんの新規薬 剤・治療法の 開発に関する 研究	3-1	新たながん治療薬（再生医療等製品を除く）の治験（医師主導治験又は企業治験）への移行・導出の準備を完了することを目的とした非臨床試験	32
	3-2	新たながん治療薬（再生医療等製品を除く）の開発・薬事承認を目指した医師主導治験	35
	3-3	既承認薬（再生医療等製品を除く）の適応拡大等によるがん治療薬の開発・薬事承認を目指した医師主導治験	39
	3-4	新たながん治療薬（再生医療等製品）の治験（医師主導治験又は企業治験）への移行・導出の準備を完了することを目的とした非臨床試験	43
	3-5	新たながん治療薬（再生医療等製品）の開発・薬事承認を目指した医師主導治験	46
	3-8	臨床検体の利活用により、革新的な診断・治療法の開発につなげるための挑戦的研究【若手育成枠】	50

公募研究開発課題(Fieldサブ項目)一覧(2/2)



	サブ項目	公募研究開発課題	公募要領 掲載ページ
Field4 : がんの標準治療の確立、ライフステージに応じたがん治療に関する研究	4-1-1	より有効または、より低侵襲ながん標準治療確立のための多施設共同臨床試験	53
	4-1-2	がん高額医療費削減に資する臨床試験	56
	4-2-1	小児がん・AYA世代のがんの標準的治療法確立のための臨床試験	59
	4-2-2	小児がん・AYA世代のがんを対象とした支持療法・緩和ケアの開発に関する臨床研究	62
	4-3	希少がんの標準的治療法確立のための臨床試験	64
	4-4	多面的な評価に基づく高齢者がんに関する臨床研究	67
	4-5	難治性がんの標準的治療法の開発に関する臨床試験	70
	4-6	小児がん・AYA世代のがん及び希少がんの治療開発に資するレジストリ及びバイオレポジトリ研究	73
	4-7	がん個別化医療の推進に資する臨床試験および基盤構築	75
	4-8	科学的根拠に基づくがんの支持療法・緩和ケアの開発に関する臨床研究	78
Field5 : がんの克服を目指した分野横断的な研究	5-1	がんの予防・診断・治療法開発に資する大規模な国際共同研究	81

- ・令和6年度から事業体制が変わり、公募内容も変化しています。
- ・過去の公募と似たタイトルの公募であっても、内容や条件が異なります。
必ず**令和8年度(1次公募)の公募要領**をご確認ください。
- ・応募に必要な書類は公募研究開発課題(サブ項目)ごとに異なります。
必ず公募要領でご確認ください。
- ・研究開発費の上限額として公募要領に示されている額を超える額で応募された場合には、不受理となります。上限額は公募研究開発課題(サブ項目)ごとに異なりますので、公募要領でご確認ください。

応募に必要な書類・提出方法



応募の際は、以下の書類を提出してください。

全応募者必須

1. 【様式1】研究開発提案書

※ 必ず令和8年度（一次公募）の公募HPからダウンロードした様式を使用し、
【様式1_記入要領】を参照の上、作成してください。

2. 【様式2】ロードマップ

※ 公募HPからテンプレートおよび記載要領をダウンロードして、作成ください。
テンプレートを使用しない場合も、【様式2_記載要領】の留意事項を踏まえて作成してください。

公募要領2.1を参照し、応募するサブ項目の
番号と公募研究開発課題名をご確認の上、
1ページ目の記入欄に記載してください。



該当する場合に提出

3. 【様式3】若手研究者履歴書・研究計画及び【様式4】若手研究者育成計画書
若手研究者の登用を希望する場合は必須
4. 【様式5】研究内容と開発対象物に関する概要
Field2-1-1、2-2-1、2-3-1へ応募する場合は必須。他のFieldは該当する場合に提出
5. 【様式6】研究開発の概要 Field3-1、3-2、3-3、3-4、3-5へ応募する場合は必須
6. ヒト全ゲノムシーケンス解析プロトコール様式
ヒト全ゲノムシーケンス解析(全エクソーム解析を含む)を実施する場合には必須
7. 臨床試験等の実施計画書(プロトコール)またはプロトコールコンセプト
臨床研究(臨床試験等)を提案する場合は必須
8. 研究マネジメントに関するチェック項目
Field3-1、3-2、3-3へ応募する場合は必須
9. PMDAの対面助言の記録等
Field2へ応募する課題で該当する場合は必須。他のFieldは該当する場合に提出
10. 動物実験等に関する基本指針に対する自己点検・評価結果の写し
該当する場合に提出
11. 財務状況資料
研究開発代表者の所属機関がスタートアップ企業等の場合は必須

※ 1.～6.、8.は公募HPから様式をダウンロードしてください。他は様式自由です。



- 応募書類はPDF形式で、e-Radにて提出をお願いします。
- 公募HPから「e-Rad入力にあたってのポイント(革新的がん医療実用化研究事業)」をダウンロードしてご参照ください。

主な注意点

① 提出期限(令和7年11月27日(木) 正午) 厳守

期限内に提出(e-Rad登録)が完了しないと応募を受理できません。余裕のある登録をお願いします。

② 書類提出先(e-Rad登録の入り口)

公募をおこなうサブ項目ごとにe-Rad登録の入り口が異なります。

サブ項目番号、公募研究開発課題名が間違いないことを確認してください。

③ 必要書類の確認

- ・ 提出必須の書類はサブ項目ごとに異なります。
- ・ e-Radで【必須】と表示されているファイルをアップロードしないと登録は完了しません。
- ・ e-Radにアップロード可能な書類の数には限りがあるため、一部のサブ項目では書類をまとめてZIP圧縮してアップロードする必要があります。その際には、圧縮ファイル内に全てのファイルが含まれているかどうか十分ご確認ください。

④ 研究機関の事務担当者との事前相談

- ・ 研究開発代表者による登録後に所属研究機関による承認が必要となります。研究機関の事務担当者と事前にご相談ください。提出期限(11月27日正午)までに、e-Radのステータス表示が『応募中/申請中/配分機関処理中』となる必要があります。e-Radの画面上でステータス表示を確認し、応募が完了していることを確認してください。

e-Rad登録時の注意・お願い

➤ e-Rad研究者情報の事前更新

研究の**健全性・公正性(研究インテグリティ)**に関する誓約の入力が必要です。
研究開発代表者および研究開発分担者全員の**研究者情報の更新**をお願いします。

- 手順:
- ① e-Radにログイン
 - ② トップページ右上の氏名をクリックし「研究者情報の確認・修正」をクリック
 - ③ 「所属研究機関」タブを選択
 - ④ 最下部の「e-Rad外の研究費の状況および役職と所属機関への届け状況」
(3) 誓約状況【報告している】にチェック
 - ⑤ 最下行「この内容で登録」をクリック ➡ e-Rad研究者情報の更新完了

➤ 早めの提出完了(e-Rad不具合回避のため)

公募〆切直前はe-Radアクセス集中のため不具合が発生する場合があります。
〆切直前を避け、余裕のある提出をお願いします。

**ご注意
ください**

研究開発代表者が必要な情報をすべて入力すると、最後に「**研究インテグリティに関する誓約**」への**チェック**が求められます。

この操作を終えると申請完了となりますが、ここでe-Radのレスポンスが悪くなり、**タイムアウトで申請が完了しない**場合があります。

不測の事態に備え、**日時に余裕のある申請**をお願いします。

※ e-Radの不具合に関する情報や、システム上の不具合が解消されない場合の特別対応などについては、公募HPに掲載されますので、随時確認してください。

応募書類作成上の注意

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

表紙

研究開発課題名は
e-Radの記載と一致
させてください。

公募要領2.1を参照して、応募する**公募
研究開発課題名**と、**サブ項目の番号**を
記入してください。

研究開発費の**上限額**を
超えないようにご注意
ください。

**ヒト全ゲノムシーケンス解析の実施に
ついて、いずれかにチェックしてください。**
**実施する場合、ヒト全ゲノムシーケン
ス解析プロトコール様式を提出ください。**

日本医療研究開発機構 革新的がん医療実用化推進事業
研究開発提案書

研究開発課題名 <small>（英語表記）</small>	日本語表記 英語表記
公募名（事業名）	サブ項目： <small>（革新的がん医療実用化推進事業）</small> <input type="checkbox"/> 公募要領第2章2.3を参照し、上記サブ項目番号に対応する公募の内容を十分確認した。 ※確認したら☑
研究開発期間 <small>（本事業における全研究期間）</small>	令和 年 月 日 ~ 令和 年 月 日（ 年間）
研究開発費総額（直接経費）	全研究期間での総額（ 千円） ※「ヒト全ゲノムシーケンス解析」の全研究期間の研究開発費合計
ヒト全ゲノムシーケンス解析	<input type="checkbox"/> 実施する <input type="checkbox"/> 実施しない ※いずれかに☑。実施する場合、ヒト全ゲノムシーケンス解析プロトコール様式を提出してください。
若手育成枠の確保 <small>（若手育成枠対象Fieldの場合）</small>	若手 <input type="checkbox"/> ※若手枠の要件に合致し、若手育成枠に応募する場合は☑
研究開発代表者	氏名 フリガナ 漢字 ローマ字表記
	性別
	生年月（年齢）
	所属機関（正式名称）
	所属部署（創局）
	役職
	通知書等送付先住所
	電話番号
	E-Mail
	研究開発代表者の情報
研究開発代表者の研究歴 <small>（主な職歴と研究内容）</small>	

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

1. 研究の背景・目的

1. 研究の背景・目的

(1) 研究の目的 (1000 文字以内)

(2) 背景

1,000字以内で記載してください。
e-Rad「基本情報」の「研究目的」に
転記してください。

2. 研究計画・方法

2. 研究計画・方法

(1) 研究開発の概要 (1000 文字以内)

(2) 研究開発の内容

研究開発項目①:

● 研究担当者 所属機関・部署・役職・氏名

1)

2)

● 研究開発の目的及び内容

● マイルストーン及び研究開発方法

令和8年度:

令和9年度:

令和10年度:

1,000字以内で記載してください。
e-Rad「基本情報」の「研究概要」に
転記してください。

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

2. 研究計画・方法

1. 研究の背景・目的

(1) 研究の目的 (1000 文字以内)

(2) 背景

2. 研究計画・方法

(1) 研究開発の概要 (1000 文字以内)

(2) 研究開発の内容

研究開発項目①:

● 研究担当者 所属機関・部署・役職・氏名

1)

2)

● 研究開発の目的及び内容

● マイルストーン及び研究開発方法

令和 8 年度:

令和 9 年度:

令和 10 年度:

6. 研究開発の主なスケジュール

ガントチャートの矢印の位置をマイルストーンの設定時期と一致させてください。矢印ではなく、●等の記号を使用しても構いません。

③研究開発担当者:

研究開発項目 <担当者>	第1年度 (R8 年度)				第2年度 (R9 年度)				第3年度 (R10 年度)			
	10	20	30	40	10	20	30	40	10	20	30	40
(1) ○○関連遺伝子 発現解析												
・○○遺伝子の同定												
・○○遺伝子発現解析												
<①②④>												
(2)												
(3)												
(4)												
(5)												

マイルストーンは、「完了」「終了」「確立」など研究開発項目の節目となる到達点・達成事項がわかるように設定してください。

「2. 研究計画・方法(2)研究開発の内容」の研究開発項目およびマイルストーンと、「6. 研究開発の主なスケジュール」のガントチャートの研究開発項目およびマイルストーンを一致させてください。

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

2. 研究計画・方法

(3) 研究協力体制について（下記の体制が整備されている際には、詳細を記載してください）

(3-1) 生物統計家の関与

a. 生物統計家の関与

- ☐ 有（詳細： _____ ）
（主な関与： ☐ 研究企画立案（データ取得前）から ☐ 統計処理（データ取得後）のみ ☐ その他）
（主な関与でその他を選択した場合、詳細： _____ ）
☐ 無／検討中
（理由： _____ ）

b. 生物統計家の専門性について

① 関与する生物統計家の学歴

② 関与する生物統計家の職歴（研究歴）

③ 臨床試験への関与の経験の有無 ☐ 有 ☐ 無

④ 関与した試験の内容（具体的に）

⑤ 専門資格の有無 ☐ 有（以下より選択ください。） ☐ 無

- ☐ 日本計量生物学会 試験統計家認定制度
（☐ 責任試験統計家 ☐ 実務試験統計家）
☐ その他
（上記以外の資格等： _____ ）

(3-2) 疫学専門家の関与 【Field1-2、1-3、1-4、1-5のみ】記載してください

a. 疫学専門家の関与

- ☐ 有（詳細： _____ ）
（主な関与： ☐ 研究企画立案（データ取得前）から ☐ 統計処理（データ取得後）のみ ☐ その他）
（主な関与でその他を選択した場合、詳細： _____ ）
☐ 無／検討中
（理由： _____ ）

b. 疫学専門家の専門性について

① 関与する疫学専門家の学歴

Field1-2に応募する場合は**疫学専門家の関与**について必ず記載してください。

Field 1-3、1-4、1-5に応募する場合は、生物統計家と疫学専門家の両者を体制に入れるか、どちらか一方にするか、適切に選択して記載してください。

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

4. 研究開発代表者及び研究開発分担者に関する情報

4. 研究開発代表者及び研究開発分担者に関する情報

	氏名	所属機関※1	現在の専門	令和8年度 研究経費※2 (千円)	エフ オー ト (%)
	生年月 (年齢: 令和8 年4月1日時点)	所属部署 (部局) ※1	学位 (最終学歴) 学位取得年		
	e-Rad ID ※3	役職※1	役割分担		
研究開発代表者					
研究開発分担者					
研究開発分担者					
計 名			研究開発経費合計		

所属機関と主たる研究場所が異なる場合は、**主たる研究場所**についても記載してください。

※1 所属機関と主たる研究場所が異なる場合は、主たる研究場所となる研究機関、所属部署 (部局) 及び役職も記載してください。

※2 研究経費については、直接経費を記載してください。

※3 e-Rad ID を取得している場合のみ記載してください。

【研究開発代表者】上記の所属機関以外に勤務先がある場合は、記載してください。

※主たる勤務場所が本研究開発課題の主たる研究場所及び上記の所属機関と異なる場合は、その旨を備考に記載してください。

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

7. 各年度別経費内訳

7. 各年度別経費内訳

(1) 委託研究開発費

(単位：千円)

大項目	中項目	R8 年度	R9 年度	R10 年度	計
1. 物品費	設備備品費				
	消耗品費				
4. その他	委託費				
	その他				
研究開発費合計					
以下の欄は審査には用いませんが、AMED 事業予算管理のためにご記載をお願いいたします。					
間接経費 (上記経費の 30%以内)					
計上額 総計※1					

(2) 研究機関別経費

(間接経費を含めた金額を記入してください。)

(単位：千円)

種別	機関名	R8 年度	R9 年度	R10 年度	計
代表研究機関					
分担研究機関 1					
分担研究機関 2					
分担研究機関 3					
研究開発費合計額					

(3) 直接経費の具体的な内訳や使用目的

- (1. 物品費)
- ・
- (2. 旅費)
- ・
- (3. 人件費・謝金)
- ・
- (4. その他)
- ・

※1 若手研究者登用費を計上している場合、合計額における内数を下に記載してください。

(対象 Field への応募で、若手研究者登用を希望する場合のみ対象。該当しない場合は、記載不要です。)

(上表の内数) 若手研究者登用費 直接経費： 円、間接経費 円

※2 研究力向上のための制度 (PI 人件費) の利用を希望する場合は、下記①～③の条件を満たしていることを確認の上、以下の項目を記載ください。(希望しない場合は、記載不要です。)

- ① 直接経費に PI の人件費 (の一部) を計上することについて、PI 本人が希望していること。
- ② PI が所属する研究機関において、確保した財源を研究力向上のために適切に執行する体制が整備されていること。
- ③ PI が所属する研究機関において、研究の業績評価が処遇へ反映されるなどの人事給与マネジメントを実施していること。

研究力向上のための制度 (PI 人件費) とは？ : <https://www.amed.go.jp/keiri/youshiki/html>

対象者氏名 (この研究でのエフォート率、申請額) : (%、約 千円/年)

期待される効果 :

研究計画における必要性がわかるように、**具体的に**記入してください。

PI人件費の利用を希望する場合はご記入ください

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須

9. 研究費の応募・受け入れ等の状況・エフォート

9. 研究費の応募・受入等の状況・エフォート

エフォートは、その他の活動(診療や教育など)を勘案して記載してください。

資金制度・研究費名(研究期間・配分機関等名)	研究開発代表者氏名	役割(代表・分担の別)	令和8年度の研究経費(直接経費)(原則全体的額)(千円)	エフォート(%)	研究内容の相違点及び他の研究費に加えて本応募研究開発課題に応募する理由
【本研究開発課題】(R8~R10)		代表			

(2) 採択されている研究費(実施中の研究費・実施予定の研究費)(令和 年 月 日時点)

(2-1) 採択されている研究費(実施中の研究費・実施予定の研究費) AMED 研究費

(注: 本研究開発課題の研究開始年度前に終了する研究費は含みません。)

資金制度・研究費名(研究期間・配分機関等名)	研究開発課題名(研究開発代表者氏名)	役割(代表・分担の別)	令和8年度の研究経費(直接経費)(原則全体的額)(千円)	エフォート(%)	研究内容の相違点及び他の研究費に加えて本応募研究開発課題に応募する理由

(2-2) 採択されている研究費(実施中の研究費・実施予定の研究費) AMED 以外の研究費

(注: 本研究開発課題の研究開始年度前に終了する研究費は含みません。)

資金制度・研究費名(研究期間・配分機関等名)	研究開発課題名(研究開発代表者氏名)	役割(代表・分担の別)	令和8年度の研究経費(直接経費)(原則全体的額)(千円)	エフォート(%)	研究内容の相違点及び他の研究費に加えて本応募研究開発課題に応募する理由

(1-2) 応募中の研究費 AMED 以外の研究費

資金制度・研究費名(研究期間・配分機関等名)	研究開発課題名(研究開発代表者氏名)	役割(代表・分担の別)	令和8年度の研究経費(直接経費)(原則全体的額)(千円)	エフォート(%)	研究内容の相違点及び他の研究費に加えて本応募研究開発課題に応募する理由

応募中や受入予定の研究費について、**本提案との相違点**をご説明ください。
研究費の不合理な重複及び過度の集中の排除の観点から重要になります。

(3) その他の活動

エフォート: %

研究開発分担者についても、研究開発代表者と同様に記載してください。

【様式1】研究開発提案書 全応募者必須



10. これまでに受けた研究費とその成果等

10. これまでに受けた研究費とその成果等

(1) 【研究開発代表者】AMED 事業

【研究開発分担者】AMED 事業

過去5年度内に受けた研究費のうち、
本研究の立案に関わるものを選定し、
記載してください。

(2) 【研究開発代表者】それ以外の研究費

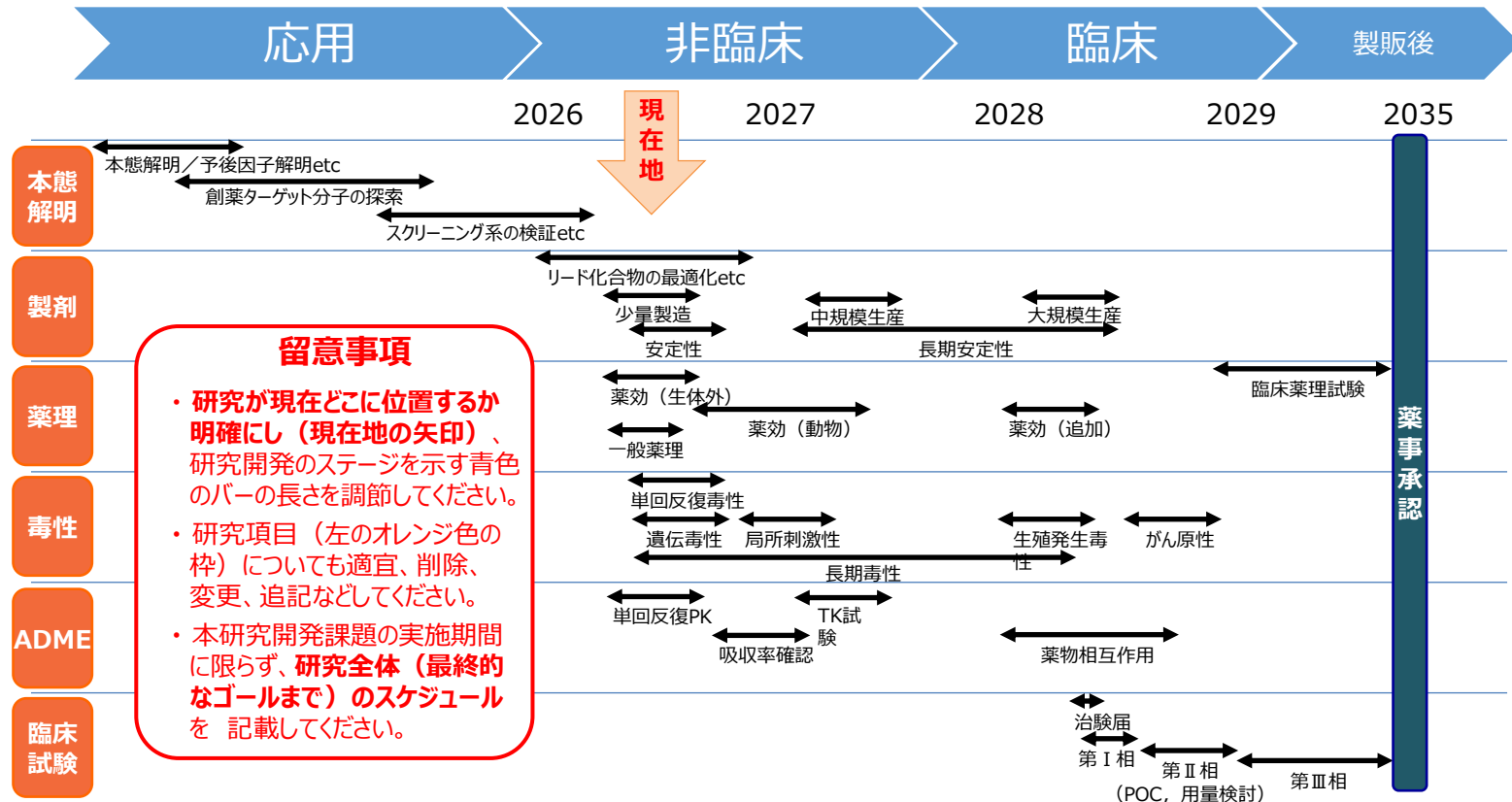
【研究開発分担者】それ以外の研究費

【様式2】

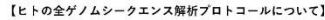
応用～非臨床～臨床～実用化のロードマップ（イメージ）

研究開発代表者氏名：英目度 太郎

研究開発代表者名を記載してください



該当者は必須



【確認事項】	【確認した】場合は、プルダウンで選択回答
<p>(I) 公募要領 第1部第3章3.5 データシェアリング: AMEDでは、AMEDが支援する研究開発から得られたデータの活用を推進するために、AMEDデータ利用プラットフォーム（以下「プラットフォーム」という。）を構築し、サービスを提供しています。 ※ https://www.kantoi.go.jp/jp/singi/kankuiyou/genome/genome_dai13/siryueu4.pdf プラットフォームが窓口となり共有されるヒトの全ゲノムシークエンスデータについては、既にプラットフォームで共有されているデータと重複を回避すること。さらにはゲノム解析の先進</p>	
<p>（Ⅱ）公募要領 第1部第4章4.1.1 応募に必要な提案書類: 「該当する場合は必須：ヒト全ゲノムシークエンス解析プロトコル様式」 ※ヒト全ゲノムシークエンス解析を実施する場合</p>	<p>(選択してください)</p>
<p>（Ⅲ）公募要領 第1部第4章4.1.3 提案書類の様式及び作成上の注意: (6) ヒト全ゲノムシークエンス解析プロトコルの提出について ヒト全ゲノムシークエンス解析（第3章「3.5 データシェアリング」参照）を実施する研究開発においては、所定の様式を提出することにより当該プロトコルの各項目を示す必要があります。該当書類において様式提出がない場合には「不受理」となり、審査の対象となりません。提案書類におけるヒト全ゲノムシークエンス解析の実施の有無については、十分注意してご確認ください。また、所定様式が提出されない場合であっても、第3章「3.5 データシェアリング」の条件を満たさない研究開発課題は、「不採択」となります。</p>	<p>(選択してください)</p>
<p>(Ⅳ) 公募要領 第1部第4章4.2 研究開発提案書以外に必要な提出書類等: ヒト全ゲノムシークエンス解析を実施する場合、ヒト全ゲノムシークエンス解析プロトコル様式の提出が必要となります。シークエンスデータやプロトコル情報の詳細については、第3章のデータシェアリングの記載を参照してください。</p>	<p>(選択してください)</p>
<p>(Ⅴ) 公募要領 第1部第2章2.2 選考スケジュール: (3) ヒト全ゲノムシークエンス解析を実施する場合で、ヒト全ゲノムシークエンス解析プロトコル様式の提出がない場合は、不受理とします。</p>	<p>(選択してください)</p>
<p>(Ⅵ) 研究開発提案書: 「ヒト全ゲノムシークエンス解析」の項目への記入 ※「実施する」「実施しない」のいずれかに記。実施する場合、ヒト全ゲノムシークエンス解析プロトコル様式を提出。</p>	<p>(選択してください)</p>

(選択してください)

(選択してください)

(選択してください)

(選択してください)

(選択してください)

(選択してください)

すべての設問に対して
回答を記入してください。

26

主なスケジュール

公募～研究開始までの主なスケジュール



公募要領 2.2



提案書類受付期間

令和7年10月30日(木)
～11月27日(木)正午(厳守)

書面審査

令和7年12月上旬
～令和8年1月上旬(予定)

ヒアリング審査

令和8年1月中旬
～1月下旬(予定)

※ 本公募ではヒアリング審査を実施します。
対象課題の研究開発代表者に対しては、原則としてヒアリング審査の
1週間前までに、電子メールにてご連絡します。

採択可否の通知

令和8年3月上旬(予定)

研究開発開始 (契約締結日)

令和8年4月1日(予定)

2. ヒト全ゲノムシーケンス解析の プロコール情報の提出について

- AMEDは、政府の方針に基づき、様々なAMED研究課題で得られたヒト全ゲノムシーケンスデータをとりまとめて大規模なデータセットをつくり、研究開発に提供する基盤「AMEDデータ利活用プラットフォーム」の整備を進めています。
- 全ゲノムシーケンスデータの大規模解析には、個別のデータの解析プロトコルが揃っていないことが、解析結果の精度に直接影響します。そのため、AMEDは、国費を投じて得られたデータを利活用した研究開発において精度の高い解析が可能となるよう、このプラットフォームが窓口となり共有されるヒトの全ゲノムシーケンスデータには、政府の方針※に基づき以下の2点を求めています。

① 既にプラットフォームで共有予定となっているデータと品質を同等に担保すること

② ゲノム解析の先進諸国との国際共同研究でも円滑に活用可能であること

※厚生労働省 第2回「全ゲノム解析等実行計画」の推進に向けた検討会議（令和3年2月16日、資料1）
内閣官房健康・医療推進戦略本部 第8回ゲノム医療協議会（令和4年3月30日、資料3、参考資料3）

- 既にこのプラットフォームで共有予定となっているヒト全ゲノムシーケンスデータとは、現時点では、内閣官房健康・医療推進戦略本部の第5回ゲノム医療協議会（令和3年3月16日）参考資料3で示されたデータのことです。
- ゲノム解析の先進諸国との国際共同研究とは、現時点では、英国のUK Biobankおよび Genomics Englandや、米国のAll Of Usなどの海外の大規模ゲノムデータリソースを用い、ゲノム医療研究で先行する欧米の研究機関と共同して実施するような研究を想定しています。

■ AMEDは、この目的を達成するため、全ゲノムシーケンスの解析プロトコールが公募要領の「データシェアリングについて」に記載されている以下の5つの要件を満たしているか確認しています。

- ライブラリー作成（キット名、断片長等）
- シーケンス反応（キット名、リード長等）
- 解析装置の機種名（機種名・型番等。外注の場合は外注先も記入）
- クオリティーコントロール（QC）の方法
- リファレンスゲノムとのマッピング及びアセンブルの方法

※ 全ゲノムシーケンス解析

次世代シーケンサーを利用した全ゲノムシーケンス解析及び全エクソーム解析を指します。なお、次世代シーケンサーを用いる解析のうち、全ゲノムまたは全エクソーム以外を対象とするゲノム解析や、アレイ解析、サンガー法によるシーケンス解析は含みません。

■ ヒト全ゲノムシーケンス解析を実施する研究課題は、所定の様式※ を提出することにより、解析プロトコールの各項目を示す必要があります。様式が提出されていない場合には応募申請は「不受理」となり、審査の対象となりませんので、提案課題におけるヒト全ゲノムシーケンス解析の実施の有無については十分に注意してご判断ください。

※ ヒト全ゲノムシーケンス解析プロトコール様式

3. 各Fieldの概要

Field1 : がんの予防に関する研究

新たながんの1次・2次予防の実現に向け、発がんリスクの層別化・個別化を行い、個人に最適化されたがん予防を確立することが求められています。ゲノム解析により発がんリスクを高める遺伝子変異、遺伝子多型やそれらと相互作用する喫煙・飲酒などの生活習慣や感染症といった要因も科学的に明らかになってきましたが、予防介入を目的としたエビデンスの蓄積は不十分です。

また、近年、リキッドバイオプシー等の体液中の微量の分子を検出できる技術の開発に加え、オミックス解析、画像解析を含む多層なデータの統合解析の技術が格段に進歩しています。今後、これらも踏まえたより精緻な発がんリスクの予測や、早期発見が困難ながんに対する診断技術の開発、既存の検診と比較して簡便・低侵襲かつ受診の場を限定しない検診技術の開発、新しい方法の効率的な社会実装を推進することが重要です。

これらの課題を解決するため、基礎から臨床の研究開発ステージにおいて、今回の公募では以下の6つのサブ項目で研究開発課題を募集します。

サブ項目	公募研究開発課題
1-1-1	がん予防の実現に資する基盤的研究と標的妥当性の検証
1-2	後ろ向きコホート研究を中心とした個人の発がんリスクを評価する研究
1-3	先制医療・予防を目指した個人の発がんリスクに応じたリスク低減手法の研究
1-4	がん検診への導入をめざした診断技術の開発に関する研究
1-5-1	がんの予防法や新たな検診手法の実用化をめざした大規模疫学研究等
1-5-2	がんの予防法や新たな検診手法の実用化をめざした大規模疫学研究等（フォローアップフェーズ）

Field2：がんの診断・治療技術開発に関する研究

がん患者がより良いがん医療を享受するためには、がん医療に係る診断・治療技術の開発を加速させるとともに、それらの速やかな医療実装が必要です。がんの診断・治療技術の開発においては、リキッドバイオプシー等の簡便かつ低侵襲な手法による治療効果・有害事象等の正確な予測・モニタリングを目的とした新規技術開発、多層的なデータやAI等の新たな科学技術を活用した個別化医療の推進に資する診断・治療技術の開発（医療機器の開発や適応拡大等を含む）、診断精度の向上に資する画像診断・イメージング技術に関する研究、患者に優しい低侵襲治療・検査のための新規技術開発等が求められています。Field 2 では、それらの速やかな医療実装を強く推進するために、実用化に向けて企業導出、薬事承認、保険収載などの出口を目指す研究開発課題を公募します。

本公募では、以下の4つのサブ項目で研究開発課題を募集します。

サブ項目	公募研究開発課題
2-1-1	バイオマーカーを用いたがん診断技術の確立と実用化に関する研究
2-2-1	がんの診断・治療における高度管理医療機器等の開発と実用化を目指した医師主導治験・臨床研究
2-3-1	新たながん診断情報が得られる先進的な医用イメージング技術の確立に関する研究
2-4	がん放射線治療における新規医療技術の開発・応用に関する実用化研究

Field3：がんの新規薬剤・治療法の開発に関する研究

がんの難治性の本態を踏まえ、国際競争力の高い新規薬剤・治療法の研究・開発を加速し、また国内外の承認薬の適応拡大・海外承認薬の本邦での承認申請を推進して、ドラッグラグ・ドラッグロスの対象を含むアンメットメディカルニーズに迅速に対応することが求められています。

そのためには、革新的なモダリティ技術を用いた海外との競争力を有する医薬品・再生医療等製品の開発研究や、外部対照等としてのレジストリデータの活用促進に向けた取り組みを推進することが必要です。

またゲノム・エピゲノム、トランスクリプトーム、プロテオーム、空間解析等による臨床検体のマルチオミックス解析と質の高い臨床情報等の解析の組み合わせにより、次の創薬・バイオマーカー標的探索等の基礎研究へフィードバックするリバーストランスレーショナル・リサーチを推進することも重要です。

以上を踏まえ、Field3においては以下の研究開発課題を募集します。

サブ 項目	公募研究開発課題
3-1	新たながん治療薬（再生医療等製品を除く）の治験（医師主導治験又は企業治験）への移行・導出の準備を完了することを目的とした非臨床試験
3-2	新たながん治療薬（再生医療等製品を除く）の開発・薬事承認を目指した医師主導治験
3-3	既承認薬（再生医療等製品を除く）の適応拡大等によるがん治療薬の開発・薬事承認を目指した医師主導治験
3-4	新たながん治療薬（再生医療等製品）の治験（医師主導治験又は企業治験）への移行・導出の準備を完了することを目的とした非臨床試験
3-5	新たながん治療薬（再生医療等製品）の開発・薬事承認を目指した医師主導治験
3-8	臨床検体の利活用により、革新的な診断・治療法の開発につなげるための挑戦的研究【若手育成枠】

Field3：がんの新規薬剤・治療法の開発に関する研究

※ 提出書類についてのご注意

Field3-1

【必須】医薬品開発の研究マネジメントに関する「チェック項目記入表」 **ステージゲート②**

Field3-2、Field3-3

【必須】医薬品開発の研究マネジメントに関する「チェック項目記入表」 **ステージゲート③又は④のいずれか適切な様式を選択すること**

当該公募において、ステージゲート①は対象外となります。

研究開発代表者の所属機関がスタートアップ企業等の場合は、下記の書類が必須となります

財務状況資料

- ・財務スコアリング
 - ・直近3年分の法人税申告書一式
(貸借対照表及び損益計算書)
 - ・資金繰り表
- ※詳細は公募要領を参照してください

Field4 : がんの標準治療の確立、ライフステージに応じたがん治療に関する研究



がん医療の進展に伴い、多様な治療選択肢が生まれており、がん患者・経験者が長期生存することで、患者のニーズは多様化しています。一方で、我が国の医療費の高額化は社会的な課題です。こうした現状を踏まえ、治療最適化の観点や、支持療法及び緩和ケアにおける幅広いアンメットメディカルニーズに応じた標準治療の確立に寄与する臨床試験を公募します。

ライフステージに応じた、小児がん・AYA世代のがん、高齢者がんに関する臨床試験、がんの特性に着目した、希少がん、難治性がんに関する臨床試験、がん遺伝子パネル検査等の結果に基づく個別化医療に関する臨床試験および基盤構築もあわせて公募します。

本公募では、以下の10のサブ項目で研究開発課題を募集します。

サブ項目	公募研究開発課題
4-1-1	より有効または、より低侵襲ながん標準治療確立のための多施設共同臨床試験
4-1-2	がん高額医療費削減に資する臨床試験
4-2-1	小児がん・AYA世代のがんの標準的治療法確立のための臨床試験
4-2-2	小児がん・AYA世代のがんを対象とした支持療法・緩和ケアの開発に関する臨床研究
4-3	希少がんの標準的治療法確立のための臨床試験
4-4	多面的な評価に基づく高齢者がんに関する臨床研究
4-5	難治性がんの標準的治療法の開発に関する臨床試験
4-6	小児がん・AYA世代のがん及び希少がんの治療開発に資するレジストリ及びバイオレポジトリ研究
4-7	がん個別化医療の推進に資する臨床試験および基盤構築
4-8	科学的根拠に基づくがんの支持療法・緩和ケアの開発に関する臨床研究

Field 5 : がんの克服を目指した分野横断的な研究

がんの研究開発を効果的に推進するためには、がんの本態解明、シーズ探索・育成等において分野横断的な研究の推進が求められています。また、症例集積の困難ながんに関する海外データベースとの連携やその活用、国際共同臨床試験の環境整備を含めた国際連携等の取組強化が重要です。

本公募においては、がんの困難な課題を解決するため、高いインパクトを持ち、得られた成果が、国際的優位性と競争力を確保し、ドラッグラグ・ドラッグロスの解消や、難治性がんの生存率の改善、小児・AYA世代のがんや希少がんに対する治療法の開発につながる国際共同研究を募集します。

今回の公募では以下のサブ項目で研究開発課題を募集します。

サブ項目	公募研究開発課題
5-1	がんの予防・診断・治療法開発に資する大規模な国際共同研究

4. 終わりに

- 提案内容そのものに関するご相談、ご質問にはお答えできません。
- 今後、ご疑問、ご質問等ありましたら、下記宛先にメールにてお問合せください。

各Field、サブ項目に関する質問の場合は、件名に「Field」または「サブ項目」の記載をお願いします。

(記載例) 件名:【令和8年度1次公募 質問】Field3-5についての質問

全体に関する質問の場合は、以下のような件名の記載をお願いします。

(記載例) 件名:【令和8年度1次公募 質問】全体についての質問

宛先: 日本医療研究開発機構

革新的がん医療実用化研究事業 公募担当

kakushingan@amed.go.jp

かくしんがん